

Appendix VIII

Alignment of instant SEQ ID NO: 3 and SEQ ID NO: 19 of 12/349,899

>lc1|27253 SID_19
Length=594

Score = 1098 bits (594), Expect = 0.0
Identities = 594/594 (100%), Gaps = 0/594 (0%)
Strand=Plus/Plus

Query	2032	CTGCCCCGGGTGGCATCCCTGTGACCCCTCCCCAGTGCCCTCTCCTGGTCGTGGAAGGTGCT	2091
Sbjct	1	CTGCCCCGGGTGGCATCCCTGTGACCCCTCCCCAGTGCCCTCTCCTGGTCGTGGAAGGTGCT	60
Query	2092	ACTCCAGTGCCCAACAGCCTTGTCTTAATAAAATTAAAGTTGCATCATTTTGTTTGACTAG	2151
Sbjct	61	ACTCCAGTGCCCAACAGCCTTGTCTTAATAAAATTAAAGTTGCATCATTTTGTTTGACTAG	120
Query	2152	GTGTCTTGTATAATATTATGGGGTGGAGGCGGGTGGTATGGAGCAAGGGGCCAGGTTGG	2211
Sbjct	121	GTGTCTTGTATAATATTATGGGGTGGAGGCGGGTGGTATGGAGCAAGGGGCCAGGTTGG	180
Query	2212	GAAGACAACCTGTAGGGCCTTCAGGGTCTATTTCGGGAACAGGCTGGAGTGCAGTGGCAG	2271
Sbjct	181	GAAGACAACCTGTAGGGCCTTCAGGGTCTATTTCGGGAACAGGCTGGAGTGCAGTGGCAG	240
Query	2272	TCTTGGCTCGCTGCAATCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAGTCTCCC	2331
Sbjct	241	TCTTGGCTCGCTGCAATCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAGTCTCCC	300
Query	2332	GAATAGTTGCGATTCCAGGCATGCAAGACCAGGCTCAGCTAATTTTGTATTTTGGTAG	2391
Sbjct	301	GAATAGTTGCGATTCCAGGCATGCAAGACCAGGCTCAGCTAATTTTGTATTTTGGTAG	360
Query	2392	AGACGGGGTTTCACCATAATTGGCCAGTCTGGTCTCCATCTCCTGACCTCAGGTAATCCGC	2451
Sbjct	361	AGACGGGGTTTCACCATAATTGGCCAGTCTGGTCTCCATCTCCTGACCTCAGGTAATCCGC	420
Query	2452	CCGCCTCGGCCTCCCAAATTGCTGGGATTACAGGTATGAGCCACTGGGGCCCTTCCCTGTC	2511
Sbjct	421	CCGCCTCGGCCTCCCAAATTGCTGGGATTACAGGTATGAGCCACTGGGGCCCTTCCCTGTC	480
Query	2512	CTGTGATTTTAAATAATTATACCAGCAGAAGGACGTCCAGACACAGCATGGGCTACCTG	2571
Sbjct	481	CTGTGATTTTAAATAATTATACCAGCAGAAGGACGTCCAGACACAGCATGGGCTACCTG	540
Query	2572	GCCATGCCCAGCCAGTTGGACATTTGAGTTGTTTGCTTGGCACTGTCTCTCAT	2625
Sbjct	541	GCCATGCCCAGCCAGTTGGACATTTGAGTTGTTTGCTTGGCACTGTCTCTCAT	594